**Explications\_analyses\_Sebastien**

**Doc Excel**

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **gene** | **Préférés** | **replicat\_**  **wt** | **NDR**  **TSS** | **Replicat**  **wt** | **NDR**  **TTS** | **Replicat**  **wt** | **NDR**  **peak** | **chrom** | **start** | **end** | **choisi\_pour\_comparaison** |
| **SPCC1393.08** | 1 | 1 | 433 | 1 | 434 | 1 | 435 | III | 814740 | 815209 | 1 |
| **SPCC1393.09c** | 0 | 1 | 436 | 1 | 435 | 1 | 435 | III | 814740 | 815209 | 0 |

En vert sont indiquées les coordonnées du pic condensin fort considéré pour l’analyse.

NDR TSS indique le numéro de la NDR détectée dans le réplicat wt 1, qui coïncide avec un TSS adjacent au pic de condensine.

NDR peak indique la NDR chevauchante avec le pic de condensine.

Si absence de NDR: NA.

**NDR\_condensin\_gene\_cond\_all\_ref\_NDR.bed**

Ce document permet de visualiser les NDR chevauchantes avec condensine utilisées pour l’analyse générale.

**NDR\_condensin\_gene\_TSS\_all\_ref\_NDR.bed**

Ce document permet de visualiser les NDR aux TSS utilisées pour l’analyse générale.

**condensin\_peaks\_strongest.bed**

Ce document permet de visualiser les pics forts de condensine utilisés pour l’analyse générale.

**S\_pombe\_ASM294v226.gff3**

Génome de S. pombe utilise pour l’annotation